吳博士您好

我是何奇軒，今年從台灣大學流行病學與預防醫學研究所畢業，並且剛服完兵役。我在104的求職網站上有看到您的公司在徵求有關生物資訊分析專員的職缺，一直以來我都在思考生物資訊除了在製藥方面以外到底能還在「精準醫療」這個議題上達到甚麼樣的成效，在看到貴公司是將此技術應用在有關胎兒方面的檢驗後，我感到非常的有興趣，並且深切期盼有機會能為貴公司服務。(附檔為我的中英履歷、自傳、碩士論文摘要以及最高學歷證件影本)

我在研究所時主修生物統計組，另外我們老師的實驗室是專門做生物資訊以及基因統計的，因此我對基因資料庫以及生物資訊方面的知識有一定程度的了解。我的碩士論文研究方向是專注在mRNA基因表現量上，並使用R語言來做資料前處理、分析資料、建構模擬數據以及評估現有的基因集合分析方法以及演算法在這些模擬數據上的表現，除此之外，我們也使用plotly套件來視覺化所有的分析結果。而整體的研究成果也在今年所上舉辦的研究成果海報展中獲得傑出海報獎(第一名)的殊榮。在另外一方面，我在研究所時也積極修習生物資訊相關課程(如計算生物學原理與應用、遺傳資料統計分析等課程)來增加自己在這方面的常識，此外，自己平時也利用空暇時間學習機器學習、Python、Linux、MySQL等課程，來精進自己的技能。

而除了學術研究外，我也在成功大學數學系時擔任過各種社團活動的成員(如數學營活動組、系上迎新、系學會行政組)，並藉此培養團隊合作的經驗，而這些經歷也讓我有信心能勝任此職位，感謝您撥冗閱讀，期望能獲得您的青睞，給予面試的機會。

敬祝 鈞安

應徵者 何奇軒 敬上

2018.11.13

威健生技

我是何奇軒，畢業於台灣大學流行病學與預防醫學研究所，研究所時主修生物統計組。

我的碩士論文研究方向是專注在mRNA基因表現量上，並使用R語言來做資料前處理、分析資料、建構模擬數據以及評估現有的基因集合分析方法以及演算法在這些模擬數據上的表現，除此之外，我們也使用plotly套件來視覺化所有的分析結果。而整體的研究成果也在今年所上舉辦的研究成果海報展中獲得傑出海報獎(第一名)的殊榮。

在另外一方面，我在研究所時也積極修習生物資訊、生物統計相關課程(如流行病學與生物統計計算、計算生物學原理與應用、遺傳資料統計分析、高等生物統計學方法(廣義線性模型、存活分析)等課程)來增加自己的能力，也利用平時空暇時間自行學習機器學習、Python、Linux、MySQL等課程，來為成為一位資深資料科學家的方向做努力，而在這方面，我熟悉的套件為….。

我大學時的主修為數學，除了本身的必修科目外，我也嘗試探索了許多應用數學、資訊以及統計相關的課程，如機率論、統計學、電腦入門與應用、抽樣調查、數理統計、應用數學方法等課程，並在2015全校的統計競試中獲得第三名的佳績。

而除了學術研究外，我也在大一大二時擔任過各種社團活動的成員(如數學營活動組、系上迎新活動組、系學會行政組)，並在修習教育學程時帶領5人團隊到養老院以及偏遠國小做教育以及義工服務，藉此培養領導的經驗以及團隊合作的能力。

I’m Chi-Hsuan Ho, graduating as a biostatistician from Institute of Epidemiology and Preventive Medicine in National Taiwan University.

The research of my master’s thesis focused on analyzing the mRNA gene expression data. I crawled, refined, and analyzed the normality of the real data from the NCBI GEO and TCGA data repository on the website by using R software. After that, I simulated data to evaluate the performance of gene-set analysis methods and algorithms, and utilized “plotly” package to visualize all analysis results. All the research results were awarded the first prize among 43 participants in master’s thesis poster exhibition.

On the other hand, I also took courses that were related to applied mathematics, computer science and statistics to develop my skills when I was in the college and graduate institute. Moreover, to be an outstanding senior data scientist in the future, I also learned machine learning, Python programming, Linux and MySQL on my own in my leisure time. (In this field, I usually used the Tenser flow and Scikit-learn module to analyze data.)

Except undertaking the academic research, I have equipped with the abilities of teamwork and leadership by being a staff member and group-leader in some courses of the teacher education program and campus clubs activities, such as Math Camp, Welcome Camp for freshman and Student Association of Administration Department, when I was a freshman and a sophomore.

Linkedin

您好

我是何奇軒，今年從台灣大學流行病學與預防醫學研究所畢業，並且剛服完兵役。很高興能在104的求職網站上有看到您的公司在徵求有關資料科學家的職缺，一直以來我對宏碁這個品牌都有很好的印象，貴公司的筆電以及電腦更是聞名國際的產品。也因此，我深切期盼有機會能為貴公司服務。(附檔為我的中文履歷以及其他的相關證照以及得獎紀錄)

我在研究所時主修生物統計組，我的碩士論文研究方向是專注在mRNA基因表現量上，並使用R以及Python語言來做網路資料擷取、資料前處理、分析資料、建構模擬數據以及評估現有的基因集合分析方法以及演算法在這些模擬數據上的表現，除此之外，我們也使用plotly套件來視覺化所有的分析結果。而整體的研究成果也在今年所上舉辦的研究成果海報展中獲得傑出海報獎(第一名)的殊榮。

在另外一方面，我在研究所時也積極修習生物資訊、生物統計相關課程(如流行病學與生物統計計算、計算生物學原理與應用、遺傳資料統計分析、高等生物統計學方法(廣義線性模型、存活分析)等課程)來增加自己的能力，也利用平時空暇時間自行學習機器學習、Linux、MySQL等課程，來為成為一位資深資料科學家的方向做努力。

而除了學術研究外，我也在成功大學數學系時擔任過各種社團活動的成員(如數學營活動組、系上迎新、系學會行政組)，並藉此培養團隊合作的經驗，而這些經歷也讓我有信心能勝任此職位，感謝您撥冗閱讀，期望能獲得您的青睞，給予面試的機會。

敬祝 鈞安

應徵者 何奇軒 敬上

Acer